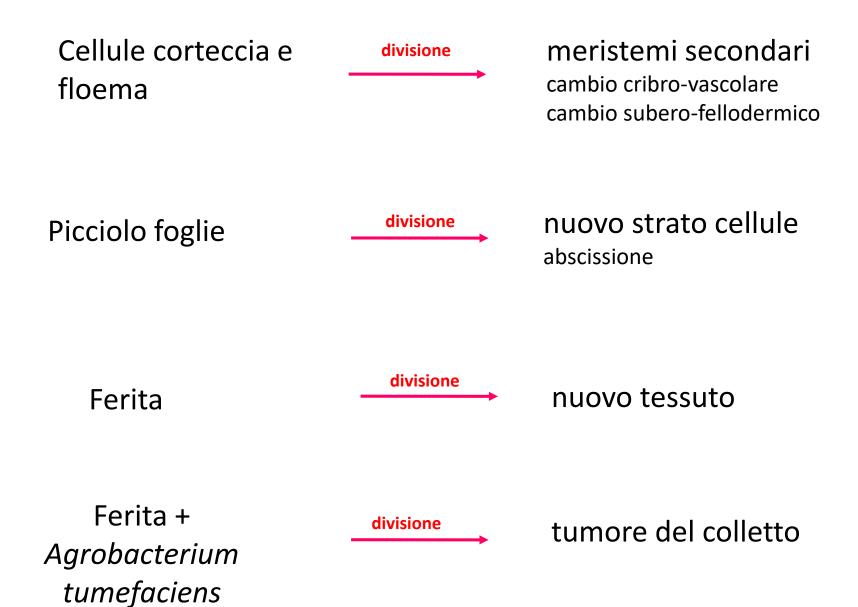
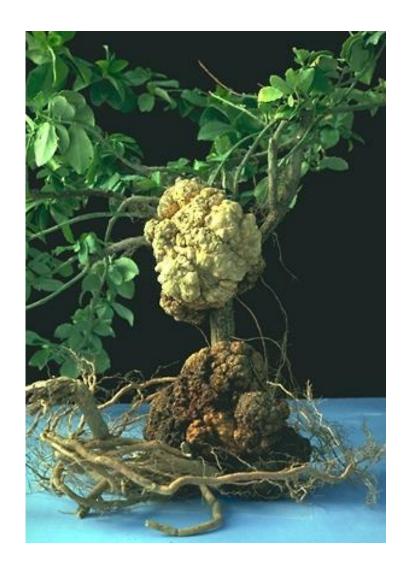
LE CITOCHININE

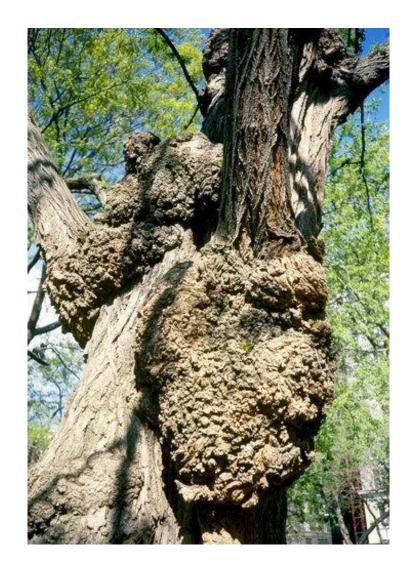
Scoperte nel corso di studi per identificare sostanze in grado di stimolare le divisioni cellulari



Cellule già differenziate possono acquisire nuovamente la capacità di dividersi:







Esistenza di un segnale chimico (ormone) che induce le divisioni cellulari

Studi sulla coltivazione di organi e tessuti vegetali

1930 White



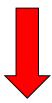
Tessuti da fusti — non crescono, anche in presenza di auxina

Un fattore prodotto dalla radice regola la crescita del fusto

Ricerca di sostanze in grado di stimolare la proliferazione cellulare

Succo di pomodoro Endosperma liquido noce di cocco (latte di cocco)

Mezzo di White: auxina + 30% latte di cocco



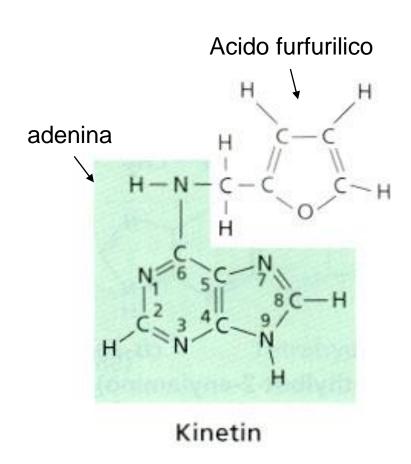
Efficace su molti tessuti: formazione di calli

Nel 1974 nel latte di cocco identificata la Zeatina

La prima citochinina (sintetica) scoperta è stata la chinetina

Skoog (anni '50): DNA di aringa autoclavato stimolava la divisione cellulare in tessuti in coltura di tabacco

Chinetina (6-furfuril-aminopurina)



Esiste nelle piante una sostanza simile alla chinetina?

Nel 1973 identificata nell'endosperma di mais la prima citochinina naturale :

Zeatina (derivato dell'adenina, con catena laterale isoprenica)

Simile alla chinetina

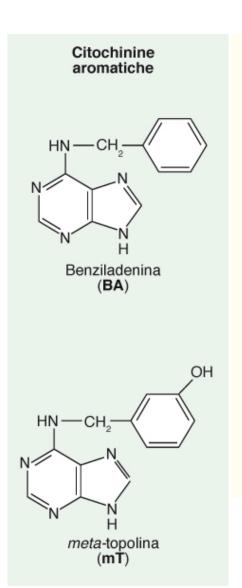
Configurazione cis/trans

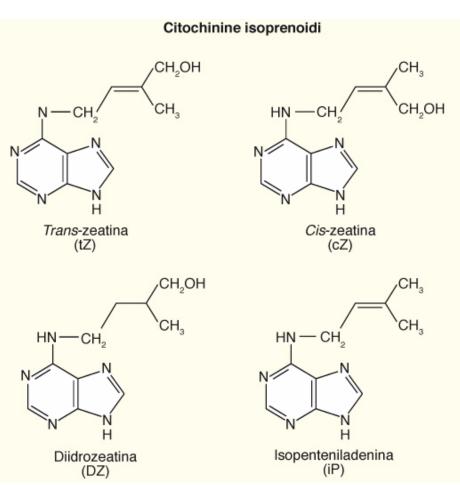
Inerconvertite dalla Zeatina isomerasi

Ruolo biologico certo per la <u>forma trans</u>

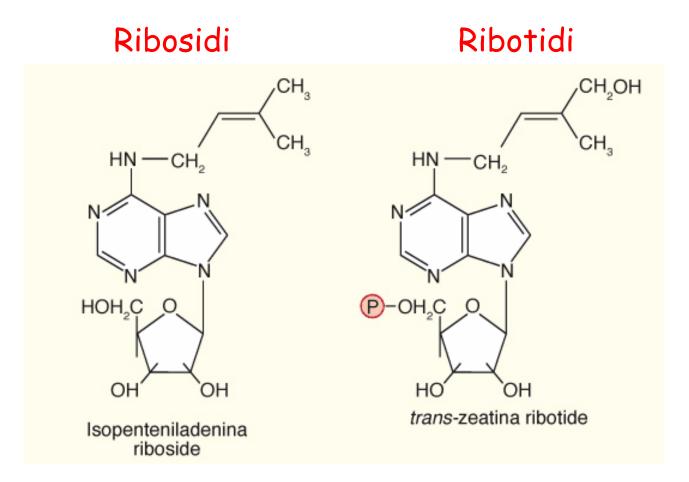
6-(4-Idrossi-3-metilbut-2-enilammino)purina

La zeatina è la citochinina principale nelle piante superiori ma altre citochinine sono state isolate da piante e batteri



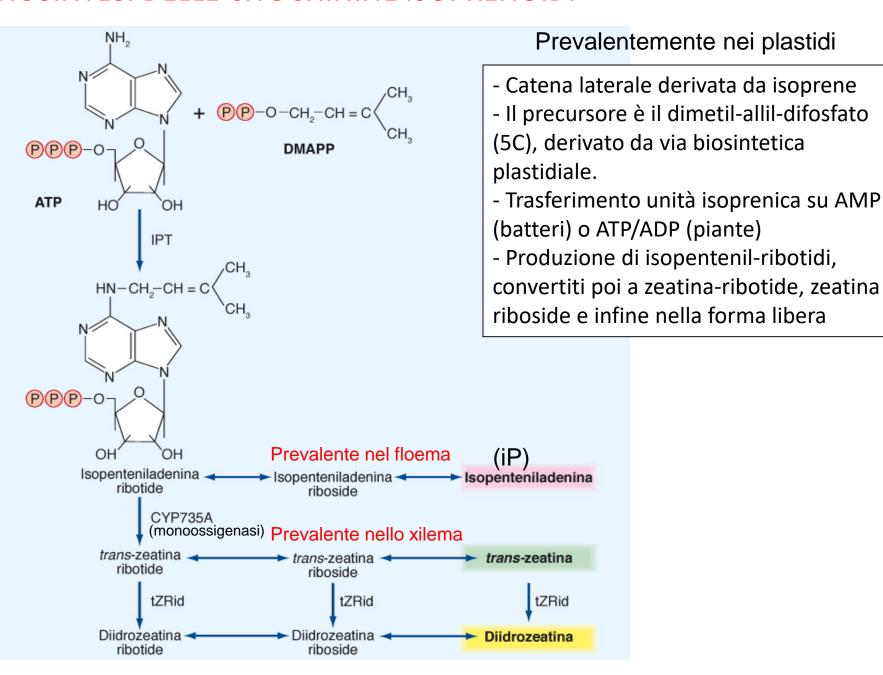


Le citochinine esistono anche in forma coniugata



Possono funzionare da forme di riserva/trasporto dell'ormone, ma le forme biologicamente attive sono le basi libere!

BIOSINTESI DELLE CITOCHININE ISOPRENOIDI



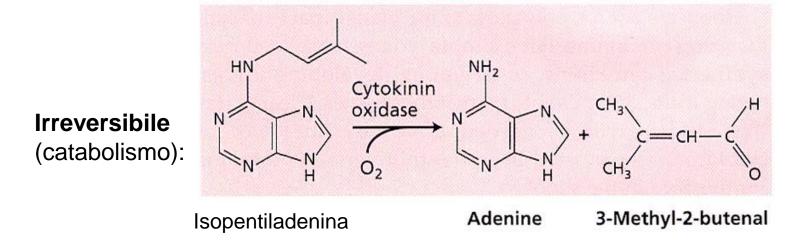
Il passaggio chiave della via biosintetica è catalizzato da

IPT: Isopentenil transferasi

(citochinina sintasi)

La sintesi delle citochinine avviene principalmente nella radice

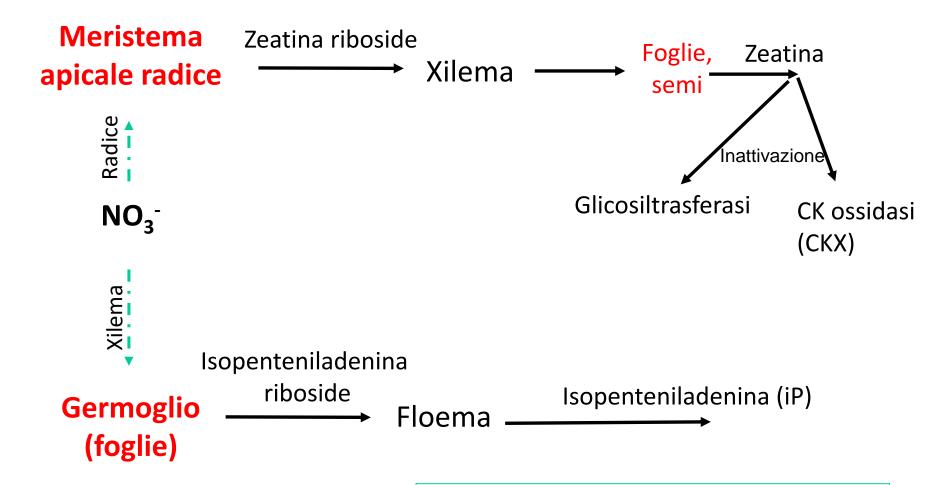
Inattivazione delle citochinine



Gene citochinina ossidasi ———indotto da citochinine (feedback negativo)

Reversibile: per glucosilazione (coniugazione con zuccheri) su N³ o su OH della catena laterale. Glicosiltransferasi

Trasporto delle citochinine: sono trasportate nello xilema e nel floema

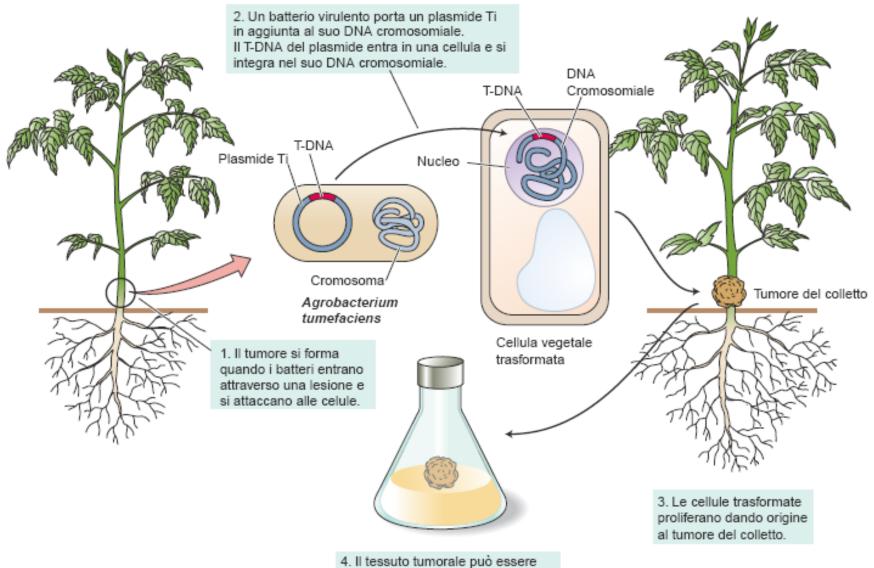


Regolazione della crescita e sviluppo della pianta tramite segnalazione a lunga distanza dello **stato di nutrizione azotata**

Tumore del colletto: causato da infezioni di Agrobacterium tumefaciens

Il tessuto infettato prolifera e produce una massa di cellule indifferenziate (callo)





Il tessuto tumorale può essere
"curato" dai batteri incubandolo a
 C. Il tumore libero dai batteri
 può essere coltivato indefinitamente
in assenza di ormoni.

Espianti di tessuto tumorale in coltura proliferano senza aggiunta di ormoni al mezzo di coltura

Nel mezzo si ritrovano notevoli quantità di auxine e citochinine

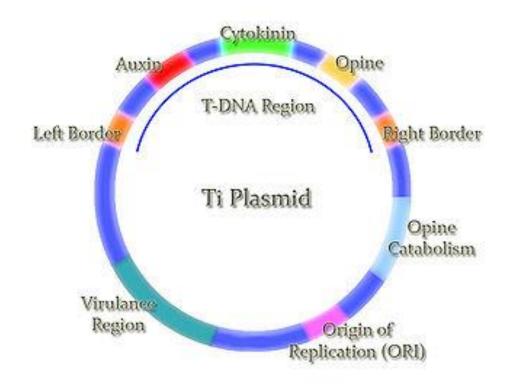
Agrobacterium trasferisce nel genoma della pianta il T-DNA contenuto nel plasmide Ti

T-DNA:

Gene Ipt (Isopenteniltransferasi) batterico

2 geni sintesi IAA

Gene sintesi opina



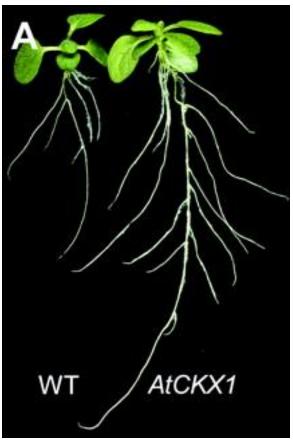
Effetti delle citochinine su accrescimento e sviluppo

- Regolano la divisione cellulare
- Regolano la dominanza apicale
- Ritardano la senescenza fogliare
- Promuovono il movimento di nutrienti
- Promuovono la differenziazione dei cloroplasti

Regolazione della divisione cellulare

Piante che sovraesprimono il gene della Citochinina ossidasi hanno uno sviluppo ridotto del germoglio e un'aumentata crescita delle radici laterali



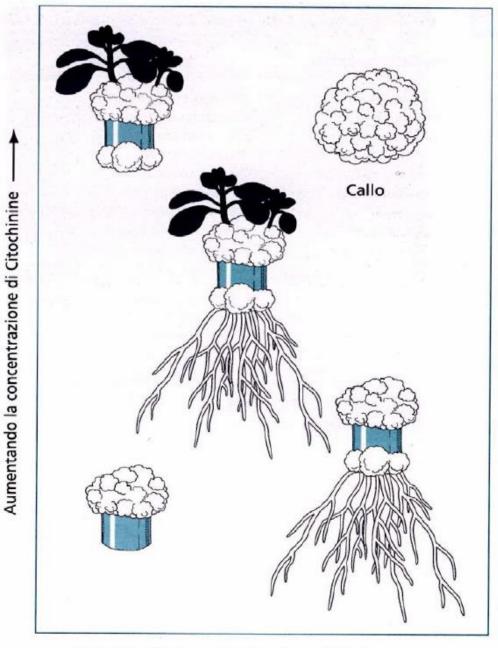




Le citochinine stimolano la crescita del germoglio (stimolazione divisioni cellulari meristema apicale) ma reprimono la crescita della radice (stimolazione differenziamento tessuto vascolare e riduzione dimensioni meristema, meno radici).

Il rapporto auxina/citochinina regola la morfogenesi di tessuti in coltura

(anche lo stato nutritivo di una pianta regola i livelli di citochinine: il rapporto auxina:citochinina regola anche il tasso di crescita relativo di radice e germoglio)



Aumentando la concentrazione di Auxine ----

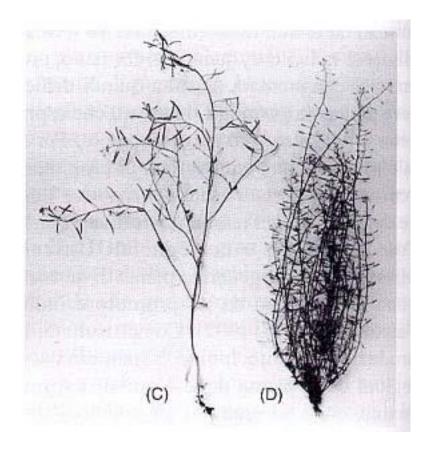
Pianta trasformata con isopenteniltransferasi (ipt) batterica

- ≽gli apici generano più foglie
- più clorofilla
- ritardata senescenza
- ridotta capacità di produrre radici avventizie da fusti recisi
- >ridotta dominanza apicale

Ridotta dominanza apicale:

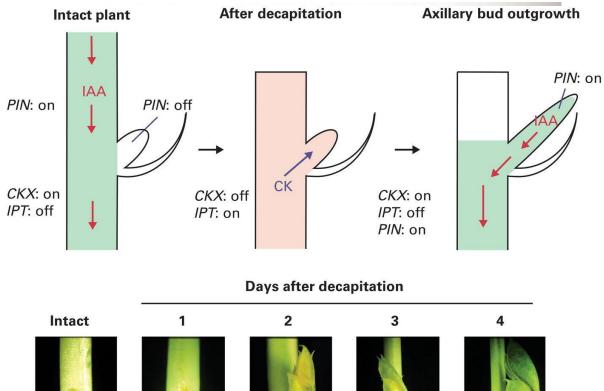
le citochinine promuovono la crescita delle gemme laterali, in antagonismo all'auxina

Piante che sovraproducono citochinine hanno una ridotta dominanza apicale





Abete infettato da Rhodococcus fascians



IAA prodotta da germoglio apicale

A livello del nodo reprime espressione di IPT e stimola espressione di CKX

IAA mantiene bassi i livelli di citochinine nelle gemme laterali

Rimozione germoglio, meno auxina nelle regioni nodali, aumento produzione citochinine, crescita gemma laterale

Removal of the apical meristem cuts off supply of auxin. *IPT* genes are activated and *CKX* (cytokinin oxidase) genes are turned off. Cytokinin moves into the adjacent bud.

Cytokinin activates bud growth. The branch meristem starts producing auxin.

Nota: nei primi modelli si ipotizzava che l'auxina bloccasse la sintesi di citochinine solo a livello radicale; recente dimostrazione della sintesi di citochinine anche nelle regioni nodali.

Le citochinine ritardano la senescenza fogliare

- Aumento attività di enzimi antiossidanti (catalasi, perossidasi)
- Aumento influsso di nutrienti nella foglia e funzionalità dei cloroplasti





Piante trasformate con un «gene chimerico» (Gene ipt + gene promotore senescenzaspecifico):

Blocco della senescenza

«Isole verdi»:



Prolungata durata delle colture

Piante di lattuga di≺ controllo

Gene promotore della senescenza (SAG12) + gene IPT Piante di lattuga che esprimono il gene ipt al momento della senescenza

Figura 21.25 La senescenza fogliare è ritardata in piante transgeniche di lattuga che esprimono il gene per la biosintesi della citochinina ipt al tempo della senescenza. Le piante azigotiche (le cinque piante in alto) mancano del transgene; le piante SAG12-IPT (le cinque piante di sotto) utilizzano un gene promotore "associato alla senescenza" (SAG12) per guidare l'espressione di ipt all'inizio della senescenza. (Da McCabe et al. 2001).

Gibberelline: regolatori dell'altezza delle piante e della germinazione dei semi

BAKANAE

(malattia del "germoglio sciocco")

Malattia del riso diffusa in

Asia causata dal fungo

Gibberella fujikuroi



- **▶1930** (Giappone) Isolamento di cristalli impuri di composti attivi (gibberellina A)
- ▶1950 (USA, GB) Struttura chimica acido gibberellico (GA₃)
- ≥1950 (Giappone) dalla GA A isolate e caratterizzate GA₁, GA₂, GA₃
- \triangleright 1958 Identificazione e purificazione nelle piante (GA₁) (in semi di fagiolo immaturi)

ATTUALMENTE SONO NOTE 136 GIBBERELLINE naturali (presenti in piante, funghi, batteri; 12 presenti in *G. fujikuroi*)

https://agrikaido.com/plant-hormones/gibberellins/

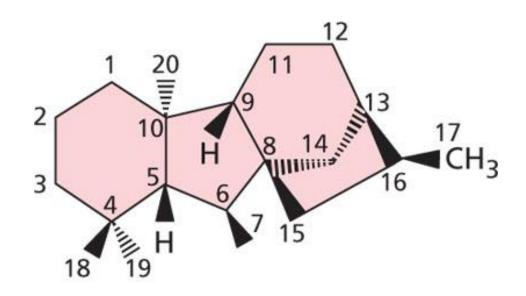
NOMENCLATURA: GA_x, a seconda dell'ordine cronologico della scoperta

Insieme di composti definiti in base alla loro struttura

chimica e non rispetto alla loro attività biologica

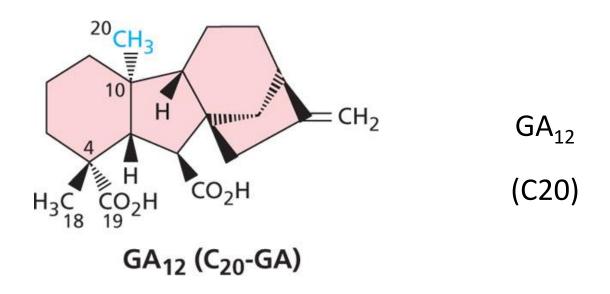
Sono note molte gibberelline, ma solo poche di queste sono biologicamente attive

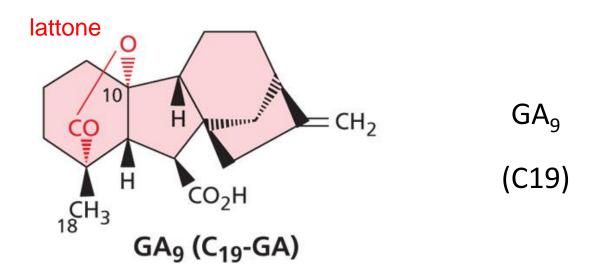
STRUTTURA BASE DELLE GIBBERELLINE Diterpeni tetraciclici, 4 unità isoprenoidi, 20 o 19 C



ent-Gibberellano

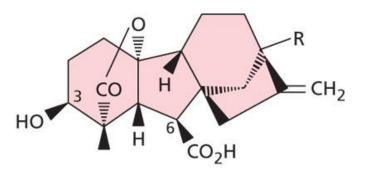
Le gibberelline contengono 19 o 20 atomi di carbonio



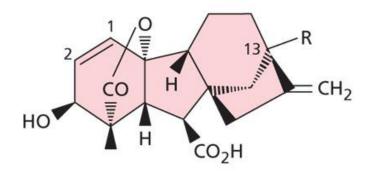


DIFFERENZE NEL NUMERO E NELLA POSIZIONE DI -OH

Firme bioattive (> affinità per il recettore): -COOH sul C6 -OH sul C3

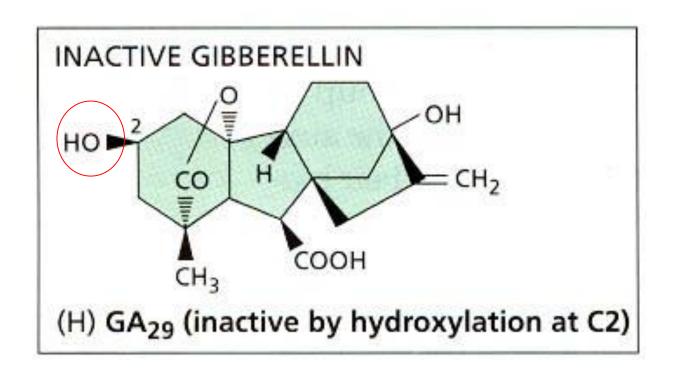


$$GA_4$$
 $R = H$
 GA_1 $R = OH$



$$GA_7$$
 $R = H$
 GA_3 $R = OH$

Idrossilazione in C2 abolisce l'attività biologica (impedisce legame GA con il recettore)



La maggior parte delle gibberelline sono dei precursori di quelle biologicamente attive

Nella maggior parte delle piante le gibberelline attive sono GA₁ e GA₄

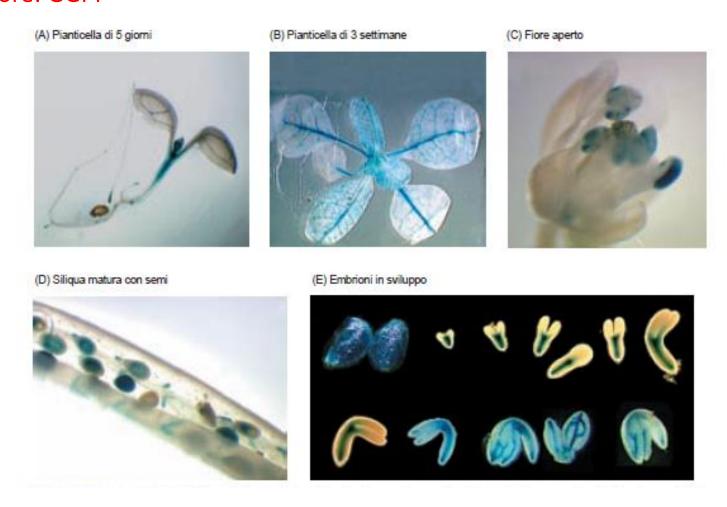
Altre GA attive:

 GA_3

GA₇

GA₉

La biosintesi di GA avviene in molti tessuti e in tutti gli stadi di vita della pianta Precursore: GGPP



Attività del gene promotore GA1: codifica per CPS (ent- coparyl-difosfato sintasi, presente nel plastidio)

PRIMI STUDI SULL'ATTIVITA' DELLE GIBBERELLINE

Effetto GA₃ sulla crescita dello stelo fiorale del cavolo (condizioni sd non induttive)

Allungamento degli internodi su piante a rosetta Stimolazione divisione cellulare e crescita per distensione

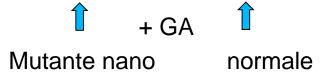


Effetti delle gibberelline su accrescimento e sviluppo

- Stimolano l'accrescimento del fusto
- Sostituiscono il segnale fotoperiodico (giorno lungo) nelle specie longidiurne
- Regolano la transizione dalla fase giovanile alla fase adulta
- Influiscono sulla formazione dei fiori
- Promuovono l'accrescimento del tubetto pollinico
- Promuovono fruttificazione e partenocarpia
- Promuovono lo sviluppo e la germinazione del seme

Effetto di GA₁ su mais nano





Regolano la transizione dalla fase giovanile ad adulta





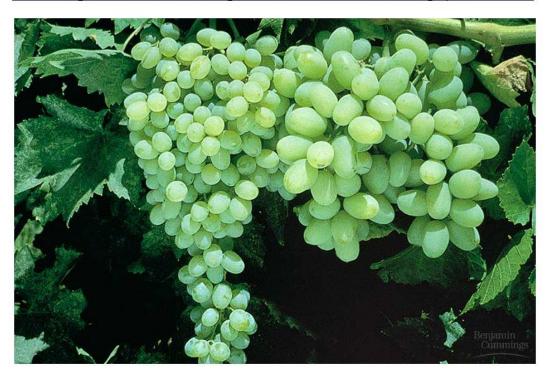
L'applicazione di GA₄+GA₇ o GA₃ induce conifere giovanili ad entrare in fase riproduttiva producendo coni precocemente

Avviente il contrario e.g. in *Edera*

Promuovono la fruttificazione e la partenocarpia







L'applicazione di GA promuove l'accrescimento del frutto

La fruttificazione indotta da GA può avvenire anche in assenza di impollinazione portando alla formazione di frutti senza semi

Uva Thompson senza semi

Promuovono lo sviluppo e la germinazione dei semi (interruzione della dormienza)

Mutanti carenti di GA hanno un tasso elevato di semi abortiti

In semi che richiedono luce (semi fotoblastici) o vernalizzazione per germinare le GA possono indurre la germinazione in assenza di stimolo ambientale

Nei cereali le GA inducono la produzione di α -amilasi per la degradazione dell'amido dell'endosperma

APPLICAZIONI COMMERCIALI

GA₃:

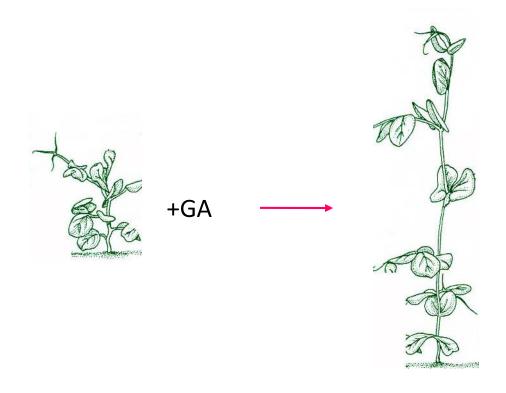
- > Produzione di frutti
- ➤ Accelerazione produzione di malto da orzo (birra)
- > Aumento rese canna da zucchero



Ritardanti della crescita (antigibberelline)

- ➤ Allevamento piante ornamentali (conifere, chiome più compatte)
- Cereali : minore crescita vegetativa (>produttività)





Le gibberelline sono dei regolatori di crescita naturali?

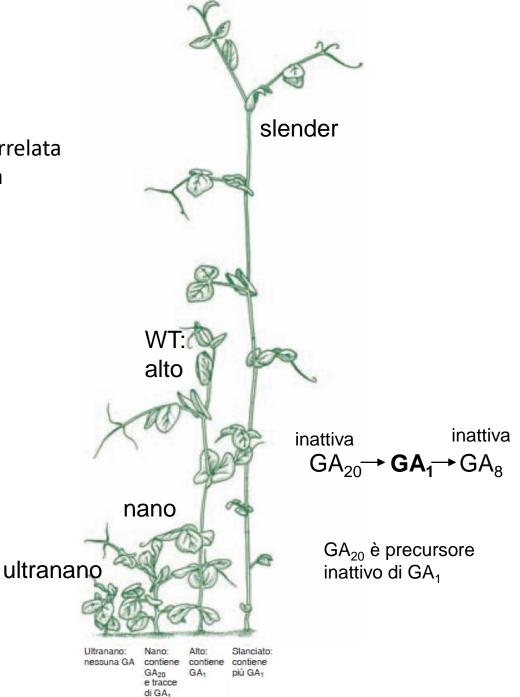
Le piante alte hanno più GAs delle piante nane?

La lunghezza del fusto è direttamente correlata alla quantità di GA attiva (GA₁) endogena

Mutanti slender (*sln*): mancano gli enzimi di degradazione delle GA₁

GA₁ è la principale gibberellina endogena bioattiva che regola la crescita dei fusti in mais e pisello

GA₁ e GA₄ intrinsecamente bioattive per la crescita dei fusti



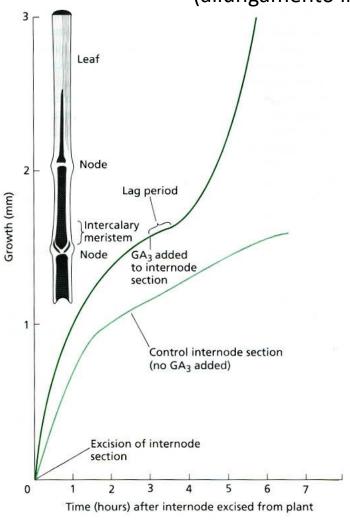
Meccanismo di azione delle gibberelline

➤ Promozione della crescita del fusto (meristema intercalare del riso di acqua profonda)

➤ Degradazione dell'amido nell'endosperma (germinazione dei cereali)

PROMOZIONE CRESCITA DEL FUSTO

(allungamento internodo superiore del riso)

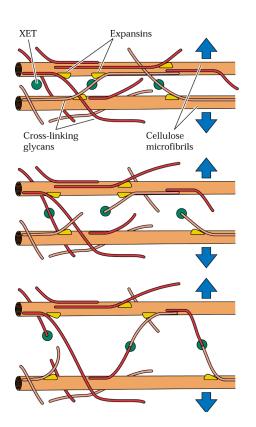


- Aumento estensibilità parete cellulare
- > No acidificazione apoplasto
- > Lag time da 40 min a 3 ore
- > Effetto additivo con IAA
- => meccanismo d'azione diverso da quello di IAA!

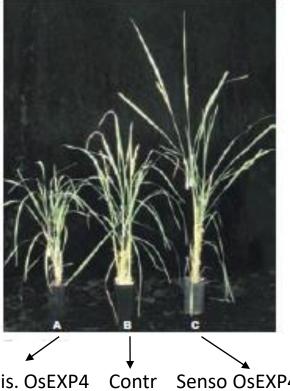
Le GA stimolano sia l'espansione che la divisione cellulare

Azione delle GA sulla distensione cellulare (diversa da quella dell'auxina)

- > aumento dei livelli di XET (xiloglucano endotransglicosidasi)
- > aumento dei livelli di espressione del gene OsEXP4 (espansina)



sommersione:



Senso OsEXP4 Costrutto Antis. OsEXP4

knock-down genico

Degradazione dell'amido nell'endosperma

(dopo la germinazione delle cariossidi dei cereali)

